

Fiche de déclaration à l'Agence de biomédecine d'une lignée de CSEh dérivée en France
(une fiche par lignée à renvoyer à Agence de la biomédecine, direction juridique, 1 avenue du Stade de France, 93212 Saint Denis la plaine)

1. COORDONNEES DE L'ETABLISSEMENT OU DE L'ORGANISME :

Organisme demandeur : - Nom - Statut	INSERM EPST
Responsable de l'activité:	IGBMC Stéphane Viville I-Stem Marc Peschanski
Origine et nature des cellules : - Embryon surnuméraire - Embryon non transférable - Diagnostic préimplantatoire	<input type="checkbox"/> L.2151-5 <input type="checkbox"/> L.2141-3 <input type="checkbox"/> L.2131-4
Intitulé du protocole de recherche :	Dérivation et amplification de lignées de CSEh porteuses de mutations à l'origine de maladies monogéniques
Registre(s) sur lesquels vous avez déclaré la lignée :	
Projet(s) de recherche en France à qui vous avez cédé la lignée :	

2. CARACTERISTIQUES DE LA LIGNEE : PATHOLOGIE : SYNDROME DE L'X FRAGILE

2.1 CODE AFFECTE A LA LIGNEE

par votre laboratoire : STR-I-347-FRAXA

par l'Agence de la biomédecine : FE09-094-L1

2.2 NOMBRE DE PASSAGES AU MOMENT DE LA DECLARATION : ...

2.3 IDENTIFICATION DE LA PLURIPOTENCE :

Morphologie

Congélation/décongélation

Marqueurs de surface : SSE3 FACS Autre

SSEA4 FACS Autre

TRA-1-60 FACS Autre

TRA-1-81 FACS Autre

Marqueurs transcriptionnels : POUF5F1

Nanog RT ou Q-PCR ou Microarray ou Protéine (Facs ou IHC)
 Sox2 RT ou Q-PCR ou Microarray ou Protéine (Facs ou IHC)
 DNMT RT ou Q-PCR ou Microarray ou Protéine (Facs ou IHC)
 TDGF RT ou Q-PCR ou Microarray ou Protéine (Facs ou IHC)
 GDF RT ou Q-PCR ou Microarray ou Protéine (Facs ou IHC)
 Autres : miRNA

2.4 DIFFERENCIATION DANS LES 3 FEUILLETS GERMINAUX

In Vitro : corps embryoides micorarray immunohistologie
 Présence ectoderme+endoderme+mésoderme : oui non
 Passage(s) testé(s) : aucun

In Vivo : formation de tératomes oui non non fait
 Présence ectoderme+endoderme+mésoderme : oui non
 Si non, quels feuillets :
 Technique analyse : Histologie IHC
 Lignée de souris :
 Passage(s) testé(s) :

2.5 CARYOTYPE

Date du 1° caryotype et passage : 16/10/2009 à passage 26, caryotype : 45,X
 Technique : G-banding Autre mFISH
 Répétition à passages :
 Modifications du caryotype :

2.6 CULTURE/CONGELATION

Dérivation à partir de la masse interne ou de l'embryon entier
 Extraction zone pellucide : oui non
 Dissociation de la masse interne : mécanique enzymatique
 Milieu de culture initial :
 Feeder des cellules initiales : oui non cellules animales
 humaines
 Technique de passage enzymatique : oui non autre

2.7 PROFIL IDENTITE (STR, SNP) oui non